

FIG 3A

T 1 MAISISAMSFGTSVSSYSCFRARSEKSSVLCNSQNPCRFNSVFP.IRKSDGASRCSVSR
 P 1 MAISISAMSFRTSVSS.....SY..SAFLCNSKNPFCLNSLFS.LRNSHRTFQPSLSR
 A 1 MA.AISGISSGTLTIS.....RPLVTLRRSRAAVSYSSSHRLLHHLPLSSRRLLLR
 consensus

1 MA ISamS T S L S S 1r 1 R

T 60 KSCRVRATLLQENEEVVVEKSFAPKSFDPNVGGGSNGKPPDDSSS.NGLEKWVIKLEQS
 P 51 KSSRV RATLLKENEEVVVEKSFAPKSFPGNVGGGNNGEPPDNSSS.NGLEKWVIKIEQS
 A 51 NNHRVQATILQDDEEKVVVEESFKA...TSTGTEPLEEPMSSSSTSASFETWIIKLEQG
 consensus

61 RV ATIL e EE VVVE SF G P SSS g E WvIKiEQ

T 119 VNILLTDSVIKILDTLYHNRNYARFFVLETIARVPYFAFISVLHMYESFGWRRADYMKV
 P 110 VNIFLTDSVIKILDTLYHDRHYARFFVLETIARVPYFAFISVLHLYESFGWRRADYLVK
 A 108 VNVFLTDSVIKILDTLYRDRTYARFFVLETIARVPYFAFMSVLHMYETFGWRRADYLVK
 consensus

121 VNi LTDSVIKILDTLYh R YARFFVLETIARVPYFAFiSVLHLYEsFGWRRADYLVK

T 179 HFAESWNEMHHLLIMEELGGNAWWFDRFLAQHIAIFYFMTVLMYALSPRMAYHFSECVE
 P 170 HFAESWNEMHHLLIMEELGGNAWWFDRFLAQHIAVFYFMTVSMYALSPRMAYHFSECVE
 A 168 HFAESWNEMHHLLIMEELGGNSWWFDRFLAQHIATFYFMTVFLYILSPRMAYHFSECVE
 Consensus

181 HFAESWNEMHHLLIMEELGGN WWFDRFLAQHIA FYYFMTV mY LSPRMAYHFSECVE

T 239 SHAYETYDKFIKDQGEELKNLPAPKIAVDYYTGGDLYLDFDEFQTSREPNTTRPKIDNLYD
 P 230 HHAYETYDKFIKDQEAELKKLPAPKIAVSYYTGGDLYLDFDEFQTSREPNTTRPKIDNLYD
 A 227 SHAYETYDKFLKASGEELKNMPAPDIAVKYYTGGDLYLDFDEFQTSRTPNTRRPVIENTLYD
 Consensus

241 HAYETYDKFiK ELK lPAP IAV YYTGGDLYLDFDEFQTSR PNTRRP IdNLYD

T 299 VFMNIRDDEAEHCKTMKACQTHGSLRSPHTD.PCDDSEDDTGCSVP.QADCIGIVDCIKK
 P 290 VFMNIRDDEAEHCKTMKACQTHGSLRSPHTN.PCDESEDDPGCSVP.QADCVGIVDCITK
 A 287 VFMNIRDDEAEHCKTMRACQTLGSLRSPHSILDDDDTEEESGCVVPEEAHCEGIVDCILKK
 Consensus

301 VfmNIRDDEAEHCKTMkACQT GSLRSPHT DdsEdd GC VP A C GIVDCi K

B
FIG 3_A (suite)

T 357 SVTDTQVTKR

P 348 SVADPNVGRR

A ³⁴⁸
~~347~~ SITS.....

Consensus

361 Sv